



## 盘古实时荧光定量 PCR 分析仪快速指南

**1. 开关机：**打开主机电源开关，长按正面待机键，“滴”一声后松开按键，主机启动并进行自检。如果关机需要先关电脑，待电脑关闭完成之后，在关闭仪器的主电源。

**2. 启动 CqMan 软件：**双击桌面 ，启动 CqMANs 软件，进入默认 admin 账户，账户和密码均是 admin。

**3. 如何新建实验：**点击新实验，进入实验建立界面。

**3.1.连接主机：**待软件自动识别到主机后，点击导航栏左边的红色按钮 ，按钮由红变绿 ，且主机屏幕上方显示连接成功，即说明软件与主机连接成功。

**3.2.实验设置：**根据自己实验要求设置实验信息，包括实验名字、实验类型、试剂类型（染料法或探针法）、运行模式选择标准默认设置

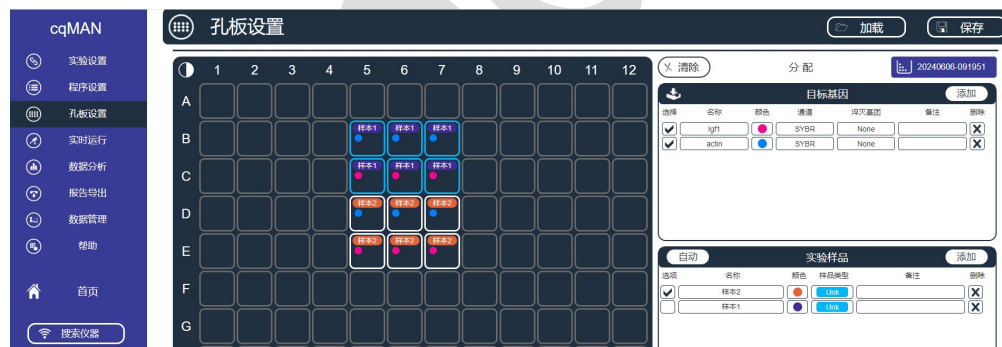
**4.程序设置：**点击左侧导航栏的程序设置，按照对应的实验条件对程序进行编辑即可。反应体积默认 25uL，如果是其他体积，需要输入正确的体积。热盖温度默认 105°C；热盖关闭温度默认 30°C。通道选择按照自己试剂采集通道勾选。

**5.孔板设置：**点击左侧导航栏的孔板设置，进行孔板布局的设置，

**5.1 基因的设置：**点击添加，添加空白行，即可添加基因信息。名称栏中输入基因名字；颜色栏可修改颜色；通道栏可选择荧光染料通道

**5.2 选中左边孔位后，在各个基因的选择栏✓，表示该孔位包含此基因；取消✓，则表示取消该孔位的基因设置。**


**5.3 样本设置和上述基因设置一样**




**5.4 标准曲线的设置（如需要请参考如下步骤）**

① 选中孔位，确定孔位中的目标基因后，无需进行实验样品的设置步骤，直接在右下方的标准栏中操作。

② **名称**中输入标准品的名称+序号，默认STD-1（若同时做多个标曲，名称不可重复，需更改名称）；**标准品数目**中输入标准品的数量，默认5；**起始浓度**中输入起始量，默认10<sup>8</sup>；**单位**栏中选择标准品浓度单位，默认copies/uL；**倍比稀释**栏选择稀释倍数，默认10x；**重复数**栏中输入重复数，默认3；**排布方式**表示排列方式，包括竖列重复设置，横行重复设置和手动设置；**升序和降序**：按照加样的浓度顺序自行选择升序或降序排列。


③ 以上信息确认无误后，选中孔位，点击标准中的  按钮，自动命名孔位中的样本，即

完成标曲的设置。

**6.运行设置：**点击左侧导航栏的实时运行，进行实验运行的设置，运行前确认实验设置、程序设置和孔板设置无误，点击  即可运行。

## 7 结果分析

### 7.1. 定量分析界面

- 1) 实验运行结束后，自动跳转至**数据分析**导航栏下的**定量分析**界面。同时在“下载”文件夹中自动生成包含所有数据的 cqa 文件（**数据保存的位置：**[点击此电脑-下载](#)）。
- 2) 定量分析 /扩增曲线：点击 ，可切换扩增曲线图谱类型，Cq：线性图谱，Log：对数图谱。标准曲线的数据则在右侧显示。

### 7.2. 熔解曲线界面

**熔解曲线**和**熔解曲线峰值**分别显示熔解曲线的原始图谱和导数图谱，主要看引物特异性，单峰引物特异性较好。

### 7.3. 基因表达界面

- 1) 基因表达图谱：显示相对定量柱状图。
- 2) 基因表达设置：
  - ① 分析模式：默认：归一化表达分析（ $\Delta\Delta Cq$ ）、如需其他算法下拉菜单中进行选择
  - ② 绘图类型：包括 RQ vs 样品和 RQ vs 基因两种类型，默认 RQ vs 样品。
- 3) 实验设置：

内参基因和对照样品根据您的实验进行勾选，勾选完成后点击任意空白处完成确认。

### 7.4. 等位基因分析界面

等位基因分析：四象限图谱，默认 cq 值算法，用于基因分型。

## 8. 保存和加载

点击右上角**导出**，可导出 cq 值等数据的 excel 表格，点击右上方的**加载**可将之前的.cqa 数据调取到数据分析界面，再次进行数据分析。